

Type de tumeur	Test
POUMON	<input type="checkbox"/> Analyse étendue des mutations et fusions pour une thérapie ciblée (NGS RNA-Seq, Archer CTL)*, d <input type="checkbox"/> recherches ciblées sur : <input type="checkbox"/> <i>ALK</i> ^a ALC IHC résultat : <input type="checkbox"/> pos <input type="checkbox"/> nég <input type="checkbox"/> inconnu <input type="checkbox"/> <i>ROS1</i> ^a <input type="checkbox"/> <i>RET</i> <input type="checkbox"/> <i>EGFR</i> hotspots incl. p.T790M (envoyer la demande et l'échantillon de sang ou de plasma au CME, UZL) ^d Si contexte de résistance, mutation initiale: <input type="checkbox"/> PD-L1 IHC ^a Spécifiez l'anticorps : <input type="checkbox"/> autres :
OVAIRE/ PROSTATE	<input type="checkbox"/> <i>BRCA1/2</i> (somatique) via NGS*,d (Envoyer en parallèle l'échantillon de sang au CME UZL pour contrôle avec le formulaire de demande 3028) <input type="checkbox"/> autres :
SYSTEME NERVEUX CENTRAL	<input type="checkbox"/> recherches ciblées sur: <input type="checkbox"/> 1p/19q co-deletie <input type="checkbox"/> Hyperméthylation <i>MGMT</i> ^d <input type="checkbox"/> Analyse étendue de mutations génétiques par ADN NGS * (<i>IDH1/2, H3,...</i>) ^d <input type="checkbox"/> profilage de méthylation à l'échelle du génome + analyse des déséquilibres du génome entier ^d <input type="checkbox"/> autres :
SEIN	<input type="checkbox"/> MammaPrint BluePrint NGS RNA-Seq (test de profilage d'expression génique) ^{c,d} <input type="checkbox"/> Analyse étendue des mutations génétiques par ADN NGS * (<i>PIK3CA, ESR1, HER2,...</i>) ^d <input type="checkbox"/> des recherches ciblées sur : <input type="checkbox"/> Amplification <i>HER2</i> <i>HER2</i> IHC ^a score: <input type="checkbox"/> 0/1+ <input type="checkbox"/> 2+ <input type="checkbox"/> 3+ <input type="checkbox"/> inconnu <input type="checkbox"/> <i>PIK3CA</i> mutations hot-spot (envoyer la demande et l'échantillon de sang ou de plasma au CME, UZL) ^d <input type="checkbox"/> <i>ESR1</i> mutation hot-spot (envoyer la demande et l'échantillon de sang ou de plasma au CME, UZL) ^d <input type="checkbox"/> autres :
ESTOMAC	<input type="checkbox"/> Amplification <i>HER2</i> ^b <i>HER2</i> IHC ^a score: <input type="checkbox"/> 0/1+ <input type="checkbox"/> 2+ <input type="checkbox"/> 3+ <input type="checkbox"/> inconnu <input type="checkbox"/> autres :
TISSUS MOUS/ OS	<input type="checkbox"/> recherches ciblées d'anomalies spécifiques (FISH <i>MDM2, EWSR1,</i>) <input type="checkbox"/> Analyse étendue de gènes de fusion par ARN NGS-Seq (Archer Sarcoma) ^d <input type="checkbox"/> profilage de méthylation à l'échelle du génome + analyse des déséquilibres du génome entier ^d <input type="checkbox"/> autres :
REIN	<input type="checkbox"/> <i>TFE3</i> <input type="checkbox"/> <i>TFEB</i> <input type="checkbox"/> LPS (Low Pass Sequencing pour les déséquilibres du génome entier) ^d <input type="checkbox"/> autres :
FAMILIAL	Dépistage d'un cancer familial (panel germinal) sur tissu tumoral (Si le patient est toujours en vie, envoyer l'échantillon de sang pour le dépistage à CME, UZL avec le formulaire de demande 3028) <input type="checkbox"/> Contexte des tests :
MOSAIQUE	<input type="checkbox"/> Syndrome du naevus épidermique <input type="checkbox"/> Prolifération et/ou anomalie vasculaire <input type="checkbox"/> Syndrome de Maffucci <input type="checkbox"/> Ichtyose kératinopathique <input type="checkbox"/> Syndrome de McCune-Albright <input type="checkbox"/> Hémangiome congénital <input type="checkbox"/> autres :
GENERAL	<input type="checkbox"/> NGS ADN panel (96 gènes de cancer capturés, voir guide de laboratoire) ^d <input type="checkbox"/> Discuté lors de la consultation multidisciplinaire* <input type="checkbox"/> Colorectal (<i>BRAF, KRAS, NRAS, ...</i>) <input type="checkbox"/> Mélanome (<i>BRAF, KIT, NRAS, ...</i>) <input type="checkbox"/> Endomètre (<i>POLE, ...</i>) <input type="checkbox"/> Pancréas (<i>KRAS, BRCA1/2, ...</i>) <input type="checkbox"/> Carcinome neuroendocrine à grandes cellules (<i>RB1, TP53, ...</i>) <input type="checkbox"/> Autres : <input type="checkbox"/> MSI PCR (Envoyer en parallèle l'échantillon de sang au CME UZL pour contrôle avec le formulaire de demande 3028) MSI résultat IHC : <input type="checkbox"/> PD-L1 IHC ^a Spécifiez l'anticorps : <input type="checkbox"/> Pan-TRK IHC ^a (Si positif une confirmation via NGS ARN seq (Archer) sera effectuée.) <input type="checkbox"/> autres :

* Comme requis dans le cadre de l'étude pilote NGS

^a Test pharmaco-diagnostique.

^b Externalisé à ZOL Genk.

^c Uniquement avec accord du patient lorsque les critères pour le remboursement ne sont pas respectés.
(<https://www.riziv.fgov.be/nl/professionals/verzorgingsinstellingen/laboratoria/Paginas/terugbetaling-gep-vroegstadium-borstkanker.aspx>)

^d pour le guide de laboratoire voir : <https://laboboek.nexuzhealth.com/pboek/Intralab/GHB%20CME>
Termes de recherche : Archer, SeqCap, Methylation, Plasma, MammaPrint